



## PLIEGO DE PRESCRIPCIONES TÉCNICAS CORRESPONDIENTE AL PROCEDIMIENTO NEGOCIADO CON PUBLICIDAD 3/13 CONVOCADO PARA EL SUMINISTRO DE UN EQUIPO DE SECUENCIACIÓN MASIVA EN PARALELO

### 1. Objeto

El objeto de este procedimiento es la adquisición de un Equipo de Secuenciación Masiva en Paralelo de sobremesa (Benchtop). El equipo deberá ser lo suficientemente preciso, sensible y versátil para permitir un amplio rango de aplicaciones, incluyendo:

- La realización de análisis en el campo del cáncer familiar y el consejo genético (secuenciación de paneles de genes para la detección de mutaciones germinales).
- La realización de análisis en el campo de la Oncología de Precisión (análisis de biomarcadores predictores de respuesta a fármacos a partir de DNA extraído de tejidos tumorales)
- Investigación que implique secuenciación de exomas y/o RNA-seq.

### 2. Características del equipo

#### Instalación:

- Equipo de tamaño y peso adecuados para instalar sobre una mesa de laboratorio estándar)
- Sin requerimientos específicos de instalación. El equipo no debe requerir de infraestructuras específicas para su instalación tales como refrigeración permanente, suministro continuo de gases y/o líquidos, o cualquier otro requerimiento específico que implique una inversión/gasto adicional para la entidad adquirente del mismo.

#### Tecnología y Prestaciones:

- Química de secuenciación robusta que minimice los errores, incluyendo los asociados a las secuencias homopolímeros. La calidad de la química de secuenciación debe estar contrastada en estudios publicados en revistas científicas de prestigio.
- Máxima sencillez, flexibilidad y rapidez a la hora de preparar las librerías.
- Posibilidad de realizar RNA-seq
- Capacidad de producir en un día de trabajo >500Mb con >90% de los nucleótidos por encima de un umbral Q30 de calidad en el scoring.
- Capacidad de producir en 5 días de trabajo hasta 15Gb con >70% de los nucleótidos por encima de un umbral Q30 de calidad en el scoring.
- Análisis de datos sencillos. Posibilidad de secuenciar paneles de genes sin necesidad de soporte bioinformático.

CONFORME:  
EL ADJUDICATARIO  
FECHA Y FIRMA

POR EL ÓRGANO DE CONTRATACIÓN DE LA  
FUNDACIÓN  
FECHA Y FIRMA   
SeudMadrid  Comunidad de Madrid  
Fundación Investigación